

Broad bean mottle virus (BBMV)
Virus del moteado del haba

Taxonomía: Familia: Bromoviridae; Género: Bromovirus.

Descripción: Partícula isométrica de aproximadamente 26 nm de diámetro, compuesta por tres moléculas de RNA monocatenario de sentido positivo de 3,2; 2,8; y 2,2 kb correspondientes a RNA 1, RNA 2 y RNA 3 respectivamente y un RNA subgenómico de 0,8 kb que expresa la proteína de la cápsida. Los viriones contienen del 21 al 23% de ácido nucleico.

Citopatología: Presenta inclusiones amorfas en las zonas cloróticas de las hojas infectadas, al principio granulares y posteriormente vacuoladas.

Huéspedes: Haba, judía, guisante.

Sintomatología: En haba causa moteado y deformación sistémicos de hoja; en judía y guisante causa lesiones cloróticas locales y moteado y amarilleo de venas sistémicos en hoja.

Transmisión: Se transmite por inoculación mecánica y por coleópteros: *Acalymma trivittata*, *Colaspis flavida*, *Diabrotica undecimpunctata*, *Sitona lineata*.

Distribución geográfica: Sudán, Gran Bretaña, Portugal, España, Marruecos, Siria, Egipto.

Referencias:

- Llamas, S., Sandoval C., Babin M., Pogany J., Bujarski J., Romero J. (2004). Effect of the host and temperature on the formation of defective RNAs associated with Broad bean mottle virus infection. *Phytopathology* 94: 69-75.
- Rubio, M. (1964). Presencia de Broad Bean Mosaic Virus en España. *Microbiología Española* 17: 1-14.